

國立陽明大學 函

地址：112 臺北市北投區立農街2段155號

聯絡人：羅恒廉

聯絡電話：28267000 分機：6551

電子郵件：daniel.lo@ym.edu.tw

受文者：仁愛醫療財團法人大里仁愛醫院

發文日期：中華民國108年10月24日

發文字號：陽醫字第1080023670號

速別：普通件

密等及解密條件或保密期限：

附件：(A095D0000Q_1080023670_doc1_1_Attach1.pdf、
A095D0000Q_1080023670_doc1_1_Attach2.pdf)

電子收文

收 文

2019-10-25

14

主旨：本校生物醫學資訊所謹訂於2019年11月16日舉辦「微菌次世代定序資訊分析工作坊」，歡迎轉知貴校（院）內有興趣人員報名參加，請查照。

說明：

- 一、有鑑於基因高通量次世代定序的生醫資訊分析，已是微菌相關研究重要的核心技術，本校生醫資訊所特與臺北榮民總醫院及台灣微菌聯盟共同於2019年11月16日(星期六)假本校活動中心第三會議室舉辦「微菌次世代定序資訊分析工作坊」。
- 二、隨函檢附工作坊宣傳海報及報名資訊乙份，歡迎轉知貴屬有興趣人員報名參與。
- 三、進一步活動報名相關事宜，請逕洽陳小姐：02-2826700#6537，或電子郵件：tmc1060318@gmail.com。

正本：國立清華大學、國立中正大學、國立交通大學、國立中興大學、國立雲林科技大學、國立臺灣科技大學、中原大學、長庚大學、義守大學、臺北醫學大學、弘光科技大學、中國醫藥大學、嘉藥學校財團法人嘉南藥理大學、馬偕學校財團法人馬偕醫學院、國立臺灣大學、國立成功大學、國立中山大學、國立中央大學、國立東華大學、東海大學、輔仁大學學校財團法人輔仁大學、高雄醫學大學、中山

醫學大學、慈濟學校財團法人慈濟大學、輔英科技大學、長榮大學、國立臺中科技大學、國立臺北護理健康大學、亞洲大學、光宇學校財團法人元培醫事科技大學、中臺科技大學、國立屏東大學、國立聯合大學、國立宜蘭大學、國立臺南大學、慈濟學校財團法人慈濟科技大學、國防醫學院、醫療財團法人徐元智先生醫藥基金會亞東紀念醫院、彰化基督教醫療財團法人彰化基督教醫院、彰化基督教醫療財團法人彰化基督教兒童醫院、國立成功大學醫學院附設醫院、奇美醫療財團法人奇美醫院、新光醫療財團法人新光吳火獅紀念醫院、臺北市立萬芳醫院—委託財團法人臺北醫學大學辦理、長庚醫療財團法人高雄長庚紀念醫院、長庚醫療財團法人林口長庚紀念醫院、長庚醫療財團法人台北長庚紀念醫院、長庚學校財團法人長庚科技大學、長庚醫療財團法人基隆長庚紀念醫院、國泰醫療財團法人國泰綜合醫院、台灣基督長老教會馬偕醫療財團法人淡水馬偕紀念醫院、台灣基督長老教會馬偕醫療財團法人馬偕紀念醫院、台灣基督長老教會馬偕醫療財團法人馬偕兒童醫院、台灣基督長老教會馬偕醫療財團法人台東馬偕紀念醫院、高雄榮民總醫院、臺中榮民總醫院、臺北榮民總醫院、中山醫學大學附設醫院、中國醫藥大學附設醫院、臺南市立安南醫院—委託中國醫藥大學興建經營、財團法人私立高雄醫學大學附設中和紀念醫院、佛教慈濟醫療財團法人花蓮慈濟醫院、佛教慈濟醫療財團法人台北慈濟醫院、國立臺灣大學醫學院附設醫院、三軍總醫院附設民眾診療服務處、衛生福利部桃園醫院、衛生福利部臺中醫院、衛生福利部臺北醫院、衛生福利部臺南醫院、衛生福利部雙和醫院（委託臺北醫學大學興建經營）、義大醫療財團法人義大醫院、中國醫藥大學兒童醫院、秀傳醫療社團法人秀傳紀念醫院、秀傳醫療財團法人彰濱秀傳紀念醫院、臺北市立聯合醫院、臺北醫學大學附設醫院、仁愛醫療財團法人大里仁愛醫院、國立陽明大學附設醫院、澄清綜合醫院、澄清綜合醫院中港分院、行天宮醫療志業醫療財團法人思主公醫院、敏盛綜合醫院、戴德森醫療財團法人嘉義基督教醫院、振興醫療財團法人振興醫院、天主教耕莘醫療財團法人耕莘醫院、醫療財團法人辜公亮基金會和信治癌中心醫院、醫療財團法人羅許基金會羅東博愛醫院

副本：

電 2019/10/25 文
交 16:48 換 35 章

微菌次世代定序資訊分析工作坊

Microbiota NGS Bioinformatics Workshop

主辦單位：台灣微菌聯盟

共同主辦：陽明大學生醫資訊所、台北榮民總醫院

日期：2019/11/16（星期六） 時間：09:00~17:00

地點：國立陽明大學活動中心第三會議室

活動緣起：

微菌的相關研究，已是近年來各國全力投入的領域，而結合近年來次世代高通量定序技術的基因生醫資訊分析研究方法的進步，運用大量定序數據的計算分析，結合各種生醫資訊演算法，是有志投入微菌領域的研究者必備的基本功夫，有鑑於此，台灣微菌聯盟與陽明大學生醫資訊研究所及台北榮民總醫院，特別邀請國內對高通量基因定序、菌相分析、shotgun 總體基因數據分析等議題學有專精的專家學者，齊聚一堂，分享交流國內外最新的學理與實務發展。

活動議程：

Time	Agenda	講者	主持人
8:30-9:00	Registration		
09:00-09:10	Opening Remarks		
09:10-09:40	Microbiota analysis in addition to microbial composition	吳俊穎教授 台北榮總醫研部	邱正堂教授 林口長庚醫院
9:40-10:10	To characterize unculturable microbial genomes: metagenome binning or single bacterial cell sorting?	湯森林研究員 中研院生物多樣性研究中心	
10:10-10:30	Discussion		
10:30-10:50	Coffee break		
10:50-11:20	Comparative Analysis of Microbial Whole Genomes	張傳雄教授 陽明生資所	吳登強副院長 高醫大附設醫院
11:20-11:50	Experiences of Antimicrobial Studies by Short-Read and Long-Read Sequencing	黃耀廷教授 中正大學資工系	
11:50-12:10	Discussion		
12:10-13:30	Lunch		
13:30-14:00	Joining Illumina paired-end reads for classifying phylogenetic marker sequences	劉宗霖教授 成大生科與產業科學系	李宜家教授 台大醫院
14:00-14:30	Metagenomics theory and real-world application	曾景鴻博士 微菌方舟生物科技	
14:30-15:00	A genome-based multi-omics approach for elucidating the microbial functional potential for different environmental factors	吳育瑋教授 北醫大醫資所	
15:00-15:20	Discussion		

15:20-15:40	Coffee break		
15:40-16:10	Composition Analysis and Feature Selection of the Oral Microbiota Associated with Periodontal Disease with Machine Learning Techniques	林耀鈴教授 靜宜大學資工系	楊永正教授 陽明大學生資所
16:10-16:40	Data Visualization for Microbiota Analysis	何秀榮博士 台北榮總醫研部	
16:40-17:10	Microbes and Metagenomics in Human Health and Diseases - Case Studies	黃憲達教授 香港中文大學(深圳) 生命與健康科學學院	
17:10-17:30	Discussion		
17:30-17:40	Closing Remarks	吳俊穎理事長	

活動報名：本次工作坊活動，一律採線上方式報名，自即日起至 108 年 11 月 8 日或額滿截止。

報名費用：3000 元（非台灣微菌聯盟會員）、
1500 元（台灣微菌聯盟會員、主/協辦單位人員、現職學生）。
詳細繳費相關訊息請至活動報名網頁查詢。

報名網址：<https://www.microbiota.org.tw/>（微菌聯盟會員、非會員）
<https://forms.gle/SSxbkpzhR7WiZhWQ6>（主/協辦教職員、現職學生）

微菌聯盟會員、
非會員報名



主/協辦單位人
員、現職學生報名



微菌次世代 定序資訊分析工作坊

Microbiota NGS Bioinformatics Workshop

主辦單位 / 台灣微菌聯盟

共同主辦 / 國立陽明大學生醫資訊所、臺北榮民總醫院

活動時間 / 2019年11月16日(星期六) 09:00~17:00

活動地點 / 國立陽明大學 活動中心第三會議室

微菌的相關研究，已是近年來各國全力投入的領域，而結合近年來次世代高通量定序技術的基因生醫資訊分析研究方法的進步，運用大量定序數據的計算分析，結合各種生醫資訊演算法，是有志投入微菌領域的研究者必備的基本功夫，有鑑於此，台灣微菌聯盟與陽明大學生醫資訊研究所及臺北榮民總醫院，特別邀請國內對高通量基因定序、菌相分析、shotgun 總體基因數據分析等議題學有專精的專家學者，齊聚一堂，分享交流國內外最新的學理與實務發展。

TIME	AGENDA	SPEAKER	MODERATOR
08:30-09:00	Registration		
09:00-09:10	Opening Remarks	陳鴻震 司長 陳震寰 院長 吳俊穎 理事長	
09:10-09:40	Microbiota analysis in addition to microbial composition	吳俊穎 教授 臺北榮總醫研部	邱正堂 教授 林口長庚醫院
09:40-10:10	To characterize unculturable microbial genomes: metagenome binning or single bacterial cell sorting?	湯森林 研究員 中研院生物多樣性研究中心	
10:10-10:30	Discussion		
10:30-10:50	Coffee break		
10:50-11:20	Comparative Analysis of Microbial Whole Genomes	張傳雄 教授 陽明生資所	吳登強 副院長 高醫大附設醫院
11:20-11:50	Experiences of Antimicrobial Studies by Short-Read and Long-Read Sequencing	黃耀廷 教授 中正大學資工系	
11:50-12:10	Discussion		
12:10-13:30	Lunch		
13:30-14:00	Joining Illumina paired-end reads for classifying phylogenetic marker sequences	劉宗霖 教授 成大生科與產業科學系	李宜家 教授 台大醫院
14:00-14:30	Metagenomics theory and real-world application	曾景鴻 博士 微菌方舟生物科技	
14:30-15:00	A genome-based multi-omics approach for elucidating the microbial functional potential for different environmental factors	吳育璋 教授 北醫大醫資所	
15:00-15:20	Discussion		
15:20-15:40	Coffee break		
15:40-16:10	Composition Analysis and Feature Selection of the Oral Microbiota Associated with Periodontal Disease with Machine Learning Techniques	林耀鈴 教授 靜宜大學資工系	楊永正 教授 陽明大學生資所
16:10-16:40	Data Visualization for Microbiota Analysis	何秀榮 博士 臺北榮總醫研部	
16:40-17:10	Microbes and Metagenomics in Human Health and Diseases – Case Studies	黃憲達 教授 香港中文大學(深圳) 生命與健康科學學院	
17:10-17:30	Discussion		
17:00-17:10	Closing Remarks	吳俊穎 理事長	

活動報名：自即日起至108年11月8日或額滿截止

報名費用：3,000元(非台灣微菌聯盟會員)、1,500元(台灣微菌聯盟會員、主/協辦單位人員、現職學生)

報名網址：微菌聯盟會員
、非會員報名



主/協辦單位人員
、現職學生報名

